

Identificación de las especies causantes de ehrlichiosis canina con potencial transmisión humana en el Área Metropolitana de Caracas.

Ossenkopp, John¹;
Suárez, José¹; Gutiérrez,
Nancy²; Naranjo, Laura¹;
Drummond, Tatiana¹;
Álvarez, Maritza³;
Ramírez, Dania⁴; Torres,
Jaime¹; Castro, Julio¹;
Martínez, Nahir¹; Triana-
Alonso, Francisco²; Ruiz,
Johanny²; Watts,
Akemys²; Torres V.,
Carlos¹.

¹Sección de Infectología
del Instituto de Medicina
Tropical, Universidad
Central de Venezuela;
²Centro de
Investigaciones
Biomédicas (BIOMED-
UC), Facultad de Ciencias
de la Salud, Universidad
de Carabobo-Núcleo
Aragua; ³Laboratorio
Genomik; ⁴Laboratorio
VETLAB, Venezuela

INTRODUCCIÓN: En Venezuela la Ehrlichiosis es considerada endémica en caninos y equinos. En base a la relación antigénica y homología de la secuencia 16S rRNA se han delineado tres genogrupos de Ehrlichia: genogrupos I donde están incluidos *E. canis*, *E. chaffeensis*, *E. ewingii*; genogrupos II con *E. phagocytophila*, Agente granulocítico humano (agente HGE), *E. equi* y *E. platys*; genogrupos III donde están incluidos *E. sennetsu*, *E. risticii* y *Neorickettsia helminthoeca*. Las especies patógenas para el humano son: *E. chaffeensis*, *E. canis*, *E. ewingii*, Agente HGE, *E. equi* y *E. sennetsu*. **Objetivo:** Identificar las especies de Ehrlichia canina reconocidas internacionalmente en la nueva taxonomía como causantes de antropozoonosis. **MATERIALES Y MÉTODOS:** Se estudiaron 16 perros, 12 sintomáticos y 4 asintomáticos para Ehrlichiosis, a los cuales se les realizó en primer lugar estudio de capa leucocitaria; además de estudio de Reacción de Cadena de Polimerasa (PCR) para Ehrlichia spp, utilizando cebadores específicos del gen 16S rRNA, EHR16SD (5'-GGTACCYACAGAAGAAGTCC-3') y EHR16SR (5'-TAGCACTCATCGTTACAGC-3'). Finalmente a los perros con capa leucocitaria y PCR positiva se les realizó estudio de PCR específico para especies. Para la identificación de la especie *E. canis* se incluyeron los cebadores canis (5'-CAATTATTTATAGCCTCTGGCTATAGGA-3'), y HE3 (5'-TATAGGTACCGTCATTATCTTCCCTAT-3'). Para la especie *E. chaffeensis* los cebadores HE1 (5'-CAATTGCTTATAACCTTTTGGTTATAAAT-3'), y HE3 (5'-TATAGGTACCGTCATTATCTTCCCTAT-3'). **RESULTADOS:** De los 12 perros sintomáticos todos tuvieron capa leucocitaria positiva con inclusiones mononucleares; no se evidenciaron inclusiones granulocíticas. Sólo 8 perros fueron positivos para PCR genérico, siendo incluidos para el estudio. De los perros asintomáticos todos tuvieron capa leucocitaria negativa y PCR genérico negativo. Se realizó estudio de PCR para genogrupos I mononucleares con potencial infectante humano (*E. canis* y *E. chaffeensis*) obteniéndose 6 perros sólo positivos para *E. canis* y 2 perros negativos para ambas especies. **CONCLUSIÓN:** En nuestro estudio la *E. canis* (genogrupos I) representa el 75% de la Ehrlichiosis monocítica canina, el otro 25% estaría representado por otras especies de Ehrlichia monocítica no reconocidas patógenas para el ser humano. No se encontraron perros con Ehrlichiosis granulocítica.