

Caracterización molecular de cepas de Neisseria meningitidis de la colección del IPK

Suárez, Odelayis¹;
Llanes, R.¹;
Lugo, O.¹;
Poutou, J.¹

¹Instituto de Medicina
Tropical "Pedro Kouri";
Cuba

Por todos es conocido la importancia de profundizar en todos los aspectos concernientes a la enfermedad meningocócica, en el presente trabajo nos proponemos hacer una caracterización molecular de cepas de Neisseria meningitidis pertenecientes a la colección del IPK, para disponer de una herramienta más en el estudio de caracterización de focos y el seguimiento epidemiológico de esta enfermedad. En nuestro país se han realizado aislamiento de cepas en pacientes después de la vacunación masiva con la vacuna cubana VA-MENGOC-BC, estas cepas son estudiadas y coleccionadas en el Laboratorio Nacional de Referencia de Neisseria del IPK. En la investigación empleamos la técnica de ADN polimorfo amplificado al azar en busca de las relaciones genéticas entre los aislamientos pertenecientes al fenotipo B:4:P1.15, para ello se emplearon un total de 4 oligonucleótidos o cebadores de la serie OPA (Operon Technologies Inc. Alameda, California, USA). Se determinó también la distancia genética entre las cepas de estudio y la de referencia vacunal cubana (CRVC) (B:4:P1.15). Las 23 cepas mostraron diversidad genética, con 20 patrones electroforéticos y se establecieron 3 "clusters". El 90% de los aislamientos B:4:P1.15 no estuvieron relacionados genéticamente con la cepa de referencia vacunal cubana.